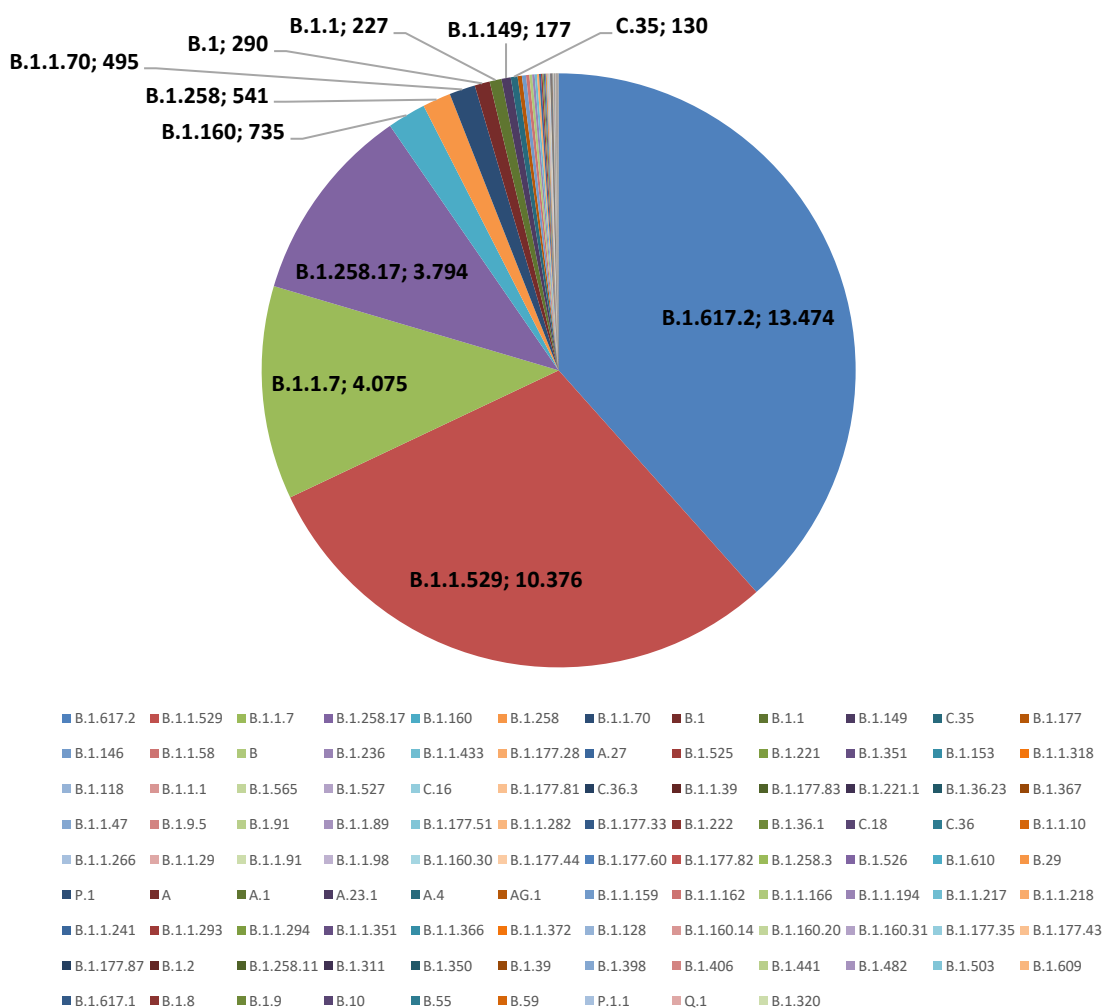




Datum: Ljubljana 03.05.2022

Sistematično genomsko opredeljevanje in spremljanje epidemije SARS-CoV-2 v Sloveniji na Inštitutu za mikrobiologijo in imunologijo Medicinske fakultete Univerze v Ljubljani
Rezultati testiranja 256 vzorcev odvzetih med 18. 04. 2022 in 24. 04. 2022

V **oseminšestdeseto presejalno sekveniranje** virusnih različic SARS-CoV-2 z metodo določanja nukleotidnih zaporedij (sekveniranje) smo vključili 256 vzorcev (76 % vseh SARS-CoV-2 PCR-pozitivnih vzorcev na IMI), ki so bili odvzeti med 18. 04. 2022 in 24. 04. 2022. Izmed teh je bilo 54 % vzorcev iz Osrednjeslovenske regije, 14 % iz Obalno-kraške regije, 8 % iz Zasavske regije, po 5 % iz Goriške in Gorenjske regije, 4 % iz Posavske regije, po 2 % iz Jugovzhodne, Podravske in Savinjske regije in po 1 % iz Primorsko-notranjske in Koroške regije. Osem vzorcev je pripadalo osebam, ki imajo stalno prebivališče v tujini.



Slika 1. Razporeditev posameznih genetskih različic opredeljenih s sekveniranjem celotnega genoma iz vzorcev vključenih v presejalno sekveniranje.



Nadzor nad zaskrbljujočimi genetskimi različicami (VOC)

Beta - B.1.351 - Južnoafriška različica

Različica beta (501Y.V2 - B.1.351) vsebuje naslednje značilne mutacije: L18F, D80A, D215G, K417N, E484K, N501Y, D614G in A701V. **V osemindesetem presejalnem obdobju različice beta nismo potrdili.** Skupno smo do sedaj dokazali različico beta pri 23 osebah, od katerih jih 21 nima jasne epidemiološke anamneze za potencialni neposredni vnos iz tujine. Ena oseba je pripotovala iz celinske Tanzanije in ena iz Zanzibarja.

Gama – P.1 - Brazilska različica

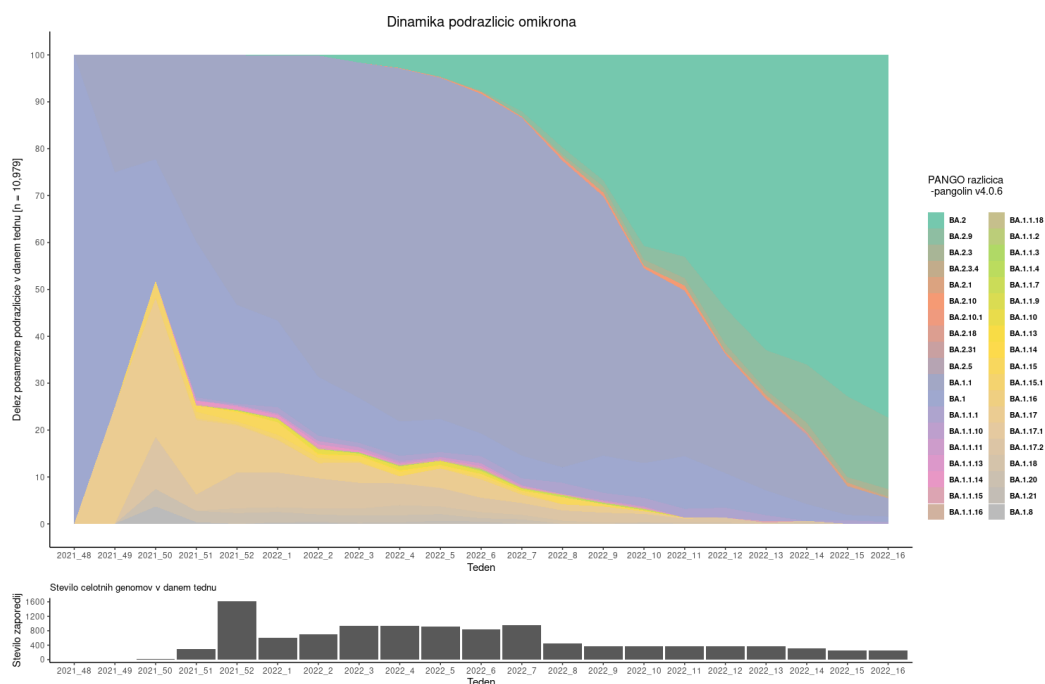
Različica gama (501Y.V3 – P.1) vsebuje naslednje značilne mutacije: L18F, T20N, P26S, D138Y R190S, K417T, E484K, N501Y, D614G, H655Y, T1027I, V1176F. **V osemindesetem presejalnem obdobju različice gama nismo potrdili.** Različico gama smo doslej potrdili pri 3 osebah.

Delta - B.1.617.2 - Indijska različica

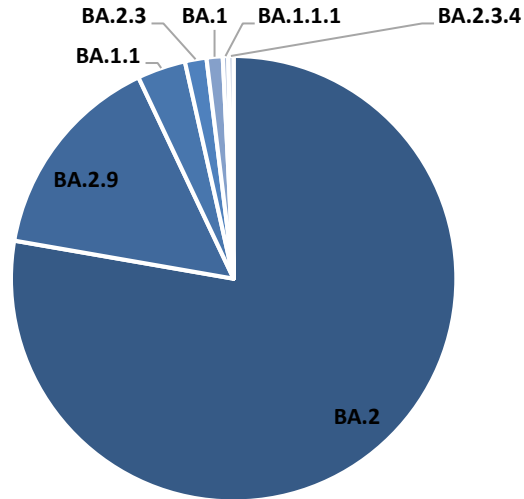
Različica delta (B.1.617.2) vsebuje naslednje značilne mutacije: T19R, L452R, T478K, D614G, D950N, P681R, del157/158. **V osemindesetem presejalnem obdobju različice delta nismo potrdili.** Skupno smo do sedaj različico delta potrdili pri 13.474 osebah.

Omikron - B.1.1.529

Različica omikron (484A – B.1.1.529) vsebuje 26 aminokislinskih zamenjav, 3 delecije in 1 insercijo na beljakovini bodice S v primerjavi s prvotno različico (A67V, del69_70, T95I, G142D, del143_145, N211I, del211, ins214EPE, G339D, S371L, S373P, S375F, S477N, T478K, E484A, Q493R, G496S, Q498R, N501Y, Y505H, T547K, D614G, H655Y, N679K, P681H, D796Y, N856K, Q954H, N969K in L981F). **V osemindesetem presejalnem obdobju smo različico omikron potrdili v vseh vzorcih.**



Slika 2. Delež posameznih podrazličic omikrona potrjenih v presejalnem testiranju.



Slika 3. Razporeditev posameznih genetskih podrazličic omikrona dokazanih v osemindesetem tednu, opredeljenih s sekveniranjem celotnega genoma.