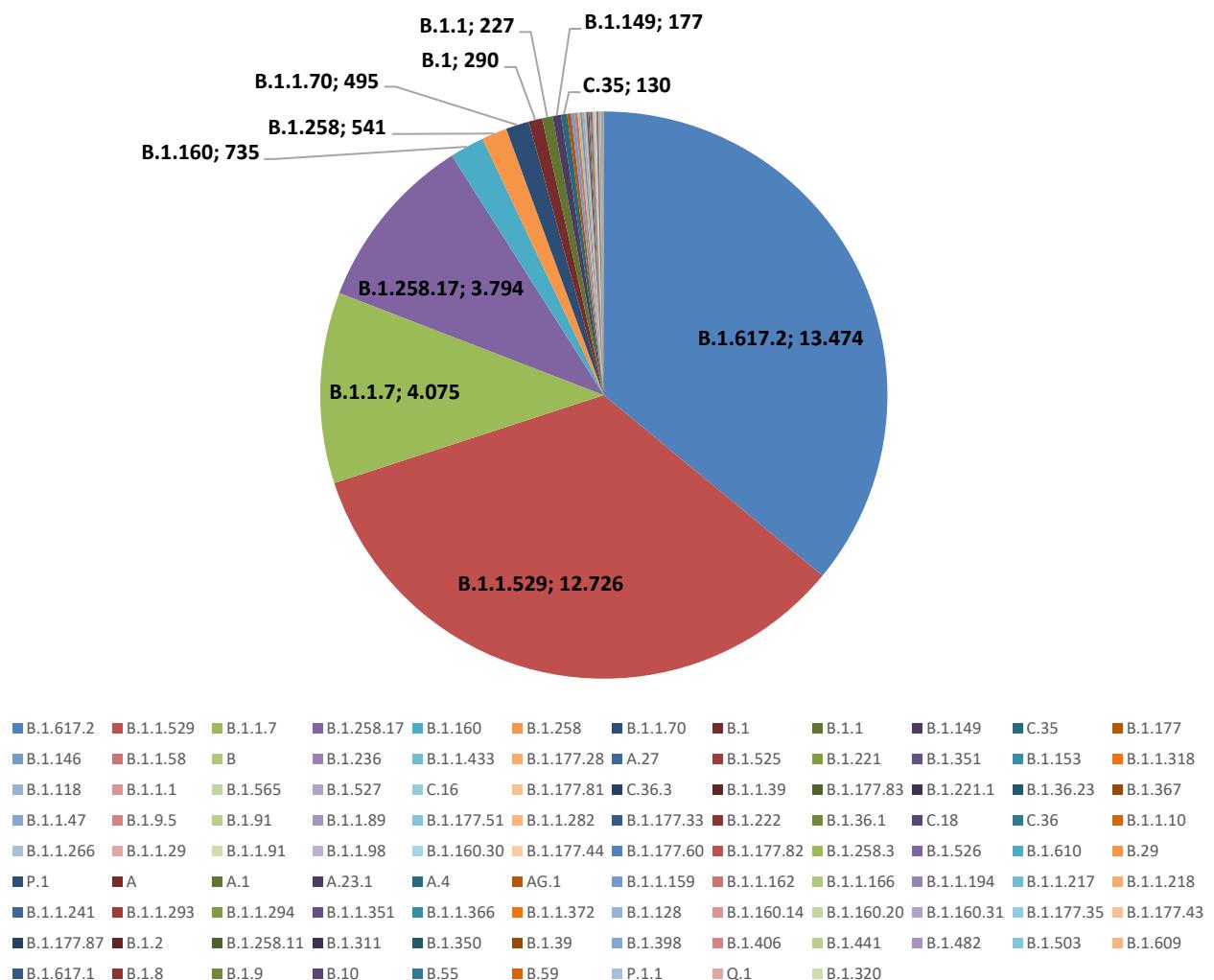




Datum: Ljubljana, 30. 08. 2022

**Sistematično genomsko opredeljevanje in spremljanje epidemije SARS-CoV-2 v Sloveniji na Inštitutu za mikrobiologijo in imunologijo Medicinske fakultete Univerze v Ljubljani**

V petinosemdeseto presejalno sekveniranje virusnih različic SARS-CoV-2 z metodo določanja nukleotidnih zaporedij (sekveniranje) smo vključili 160 vzorcev (78 % vseh SARS-CoV-2 PCR-pozitivnih vzorcev na IMI), ki so bili odvzeti med 15. 08. 2022 in 21. 08. 2022. Izmed teh je bilo 64 % vzorcev iz Osrednjeslovenske regije, 9 % iz Zasavske regije, 6 % iz Gorenjske regije, 4 % iz Goriške regije, po 3 % iz Jugovzhodne, Obalno-kraške ter Savinjske regije, 2 % iz Primorsko-notranjske regije in po 1 % iz Podravske, Pomurske ter Posavske regije. Devet vzorcev je pripadalo osebam, ki imajo stalno prebivališče v tujini.



**Slika 1.** Razporeditev posameznih genetskih različic opredeljenih s sekveniranjem celotnega genoma iz vzorcev vključenih v presejalno sekveniranje.

## Nadzor nad zaskrbljujočimi genetskimi različicami (VOC)

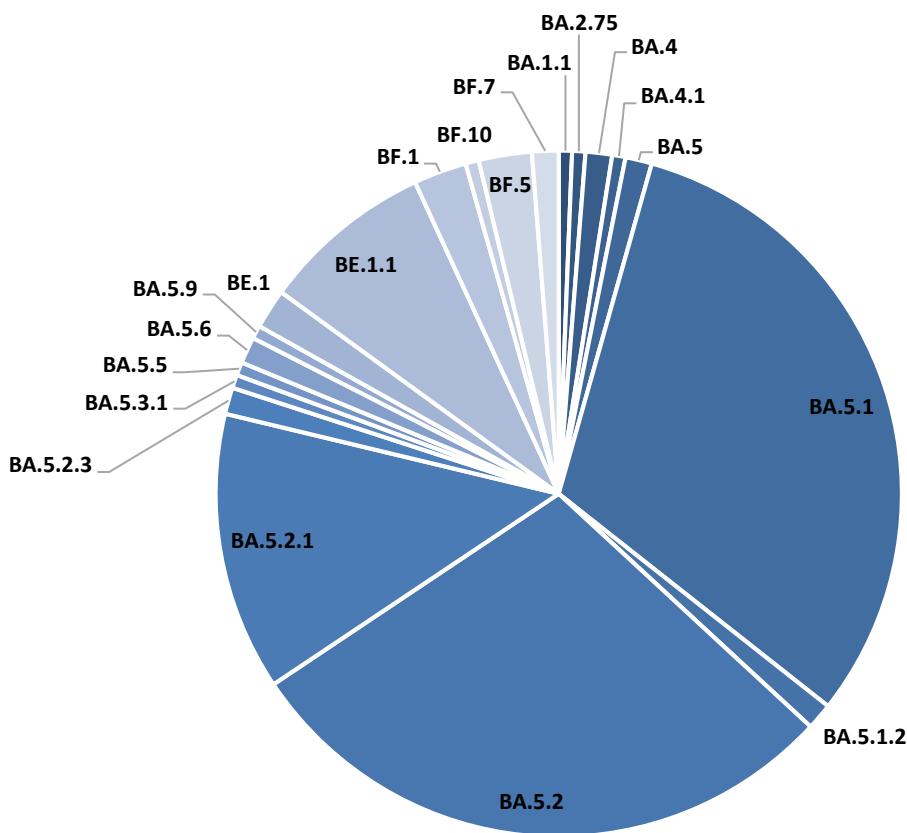
### Omkron - B.1.1.529

Različica omikron (484A – B.1.1.529) vsebuje 26 aminokislinskih zamenjav, 3 delecije in 1 insercijo na beljakovini bodice S v primerjavi s prvotno različico (A67V, del69\_70, T95I, G142D, del143\_145, N211I, del211, ins214EPE, G339D, S371L, S373P, S375F, S477N, T478K, E484A, Q493R, G496S, Q498R, N501Y, Y505H, T547K, D614G, H655Y, N679K, P681H, D796Y, N856K, Q954H, N969K in L981F).

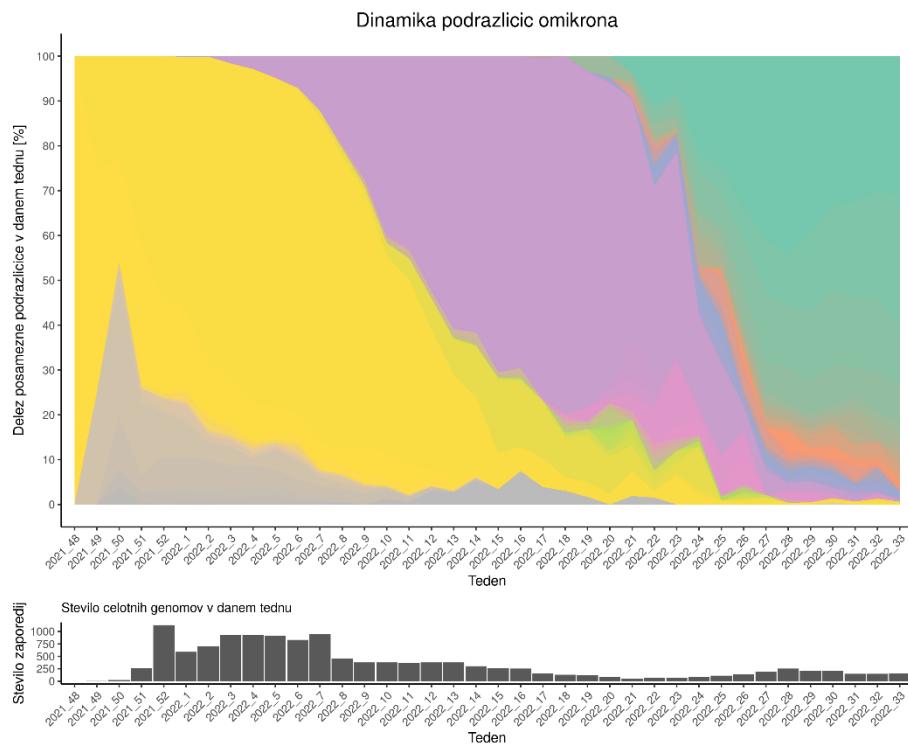
ECDC od 11. avgusta 2022 na seznam zaskrbljujočih variant uvršča 3 podrazličice omikrona (BA.2, BA.4 in BA.5) ter vse njihove hčerinske linije.

**V petinosemdesetem presejalnem obdobju smo različico omikron potrdili v vseh vzorcih.**

Podrobno razporeditev posameznih genetskih podrazličic in hčerinskih linij omikrona dokazanih v petinosemdesetem tednu presejalnega testiranja prikazuje Slika 2.



**Slika 2.** Razporeditev posameznih genetskih podrazličic omikrona dokazanih v petinosemdesetem tednu, opredeljenih s sekveniranjem celotnega genoma.



PANGO razlicica  
-pangolin v4.1.2

|          |           |           |           |
|----------|-----------|-----------|-----------|
| BA.5.1   | BA.5.8    | BA.2.34   | BA.1.13   |
| BA.5.2   | BF.3.1    | BA.2.31   | BA.1.14   |
| BA.5.2.1 | BF.4      | BA.2.36   | BA.1.15   |
| BE.1.1   | BF.8      | BA.2.37   | BA.1.1.16 |
| BF.1     | BA.4      | BA.2.38   | BA.1.1.18 |
| BF.5     | BA.4.1    | BA.2.44   | BA.1.1.2  |
| BE.1     | BA.4.1.8  | BA.2.47   | BA.1.1.3  |
| BA.5     | BA.4.4    | BA.2.5    | BA.1.1.4  |
| BA.5.1.2 | BA.4.5    | BA.2.50   | BA.1.1.7  |
| BA.5.2.3 | BA.4.6    | BA.2.52   | BA.1.1.8  |
| BA.5.6   | BA.2.75   | BA.2.56   | BA.1.10   |
| BF.7     | BA.2      | BA.2.58   | BA.1.13   |
| BA.5.3.1 | BA.2.1    | BA.2.65   | BA.1.14   |
| BA.5.5   | BA.2.10   | BA.2.70   | BA.1.15   |
| BA.5.9   | BA.2.10.1 | BA.2.71   | BA.1.15.1 |
| BF.10    | BA.2.12.1 | BA.2.72   | BA.1.16   |
| BA.5.1.1 | BA.2.13   | BA.2.9    | BA.1.17   |
| BA.5.1.3 | BA.2.13.1 | BA.2.9.3  | BA.1.17.1 |
| BA.5.1.4 | BA.2.18   | BA.2.9.4  | BA.1.17.2 |
| BA.5.1.5 | BA.2.20   | BA.1.1    | BA.1.18   |
| BA.5.2.2 | BA.2.22   | BA.1      | BA.1.20   |
| BA.5.3   | BA.2.23   | BA.1.1.1  | BA.1.21   |
| BA.5.3.2 | BA.2.27   | BA.1.1.10 | BA.1.8    |
| BA.5.3.3 | BA.2.3    | BA.1.1.11 | XAH       |

**Slika 3.** Delež posameznih podrazličic omikrona potrjenih v celotnem obdobju presejalnega testiranja od pojava B.1.1.529 v Sloveniji dalje.