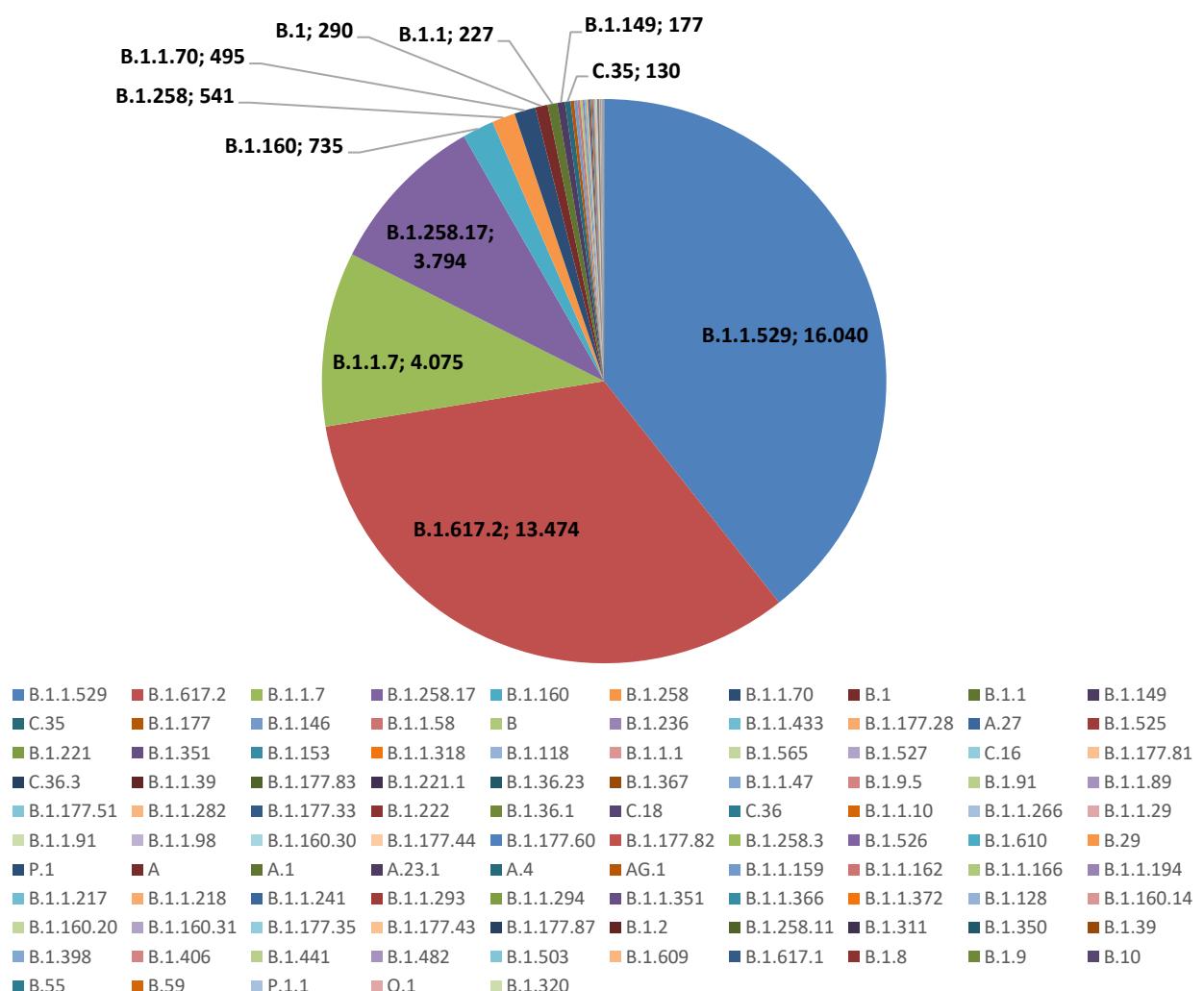




Datum: Ljubljana, 27. 12. 2022

*Sistematično genomsko opredeljevanje in spremljanje epidemije SARS-CoV-2 v Sloveniji na
Inštitutu za mikrobiologijo in imunologijo Medicinske fakultete Univerze v Ljubljani*

V **stodrugo presejalno sekveniranje** virusnih različic SARS-CoV-2 z metodo določanja nukleotidnih zaporedij (sekveniranje) smo vključili 262 vzorcev (85 % vseh SARS-CoV-2 PCR-pošitivnih vzorcev na IMI), ki so bili odvzeti med 12. 12. 2022 in 18. 12. 2022. Izmed teh je bilo 63 % vzorcev iz Osrednjeslovenske regije, 8 % iz Goriške regije, po 6 % iz Jugovzhodne ter Obalno-kraške regije, 5 % iz Zasavske regije, 4 % iz Gorenjske regije, 3 % iz Posavske regije in po 2 % iz Podravske, Primorske ter Savinjske regije. Dva vzorca sta pripadala osebama, ki imata stalno prebivališče v tujini.



Slika 1. Razporeditev posameznih genetskih različic opredeljenih s sekveniranjem celotnega genoma iz vzorcev vključenih v presejalno sekveniranje.

Nadzor nad zaskrbljujočimi genetskimi različicami (VOC)

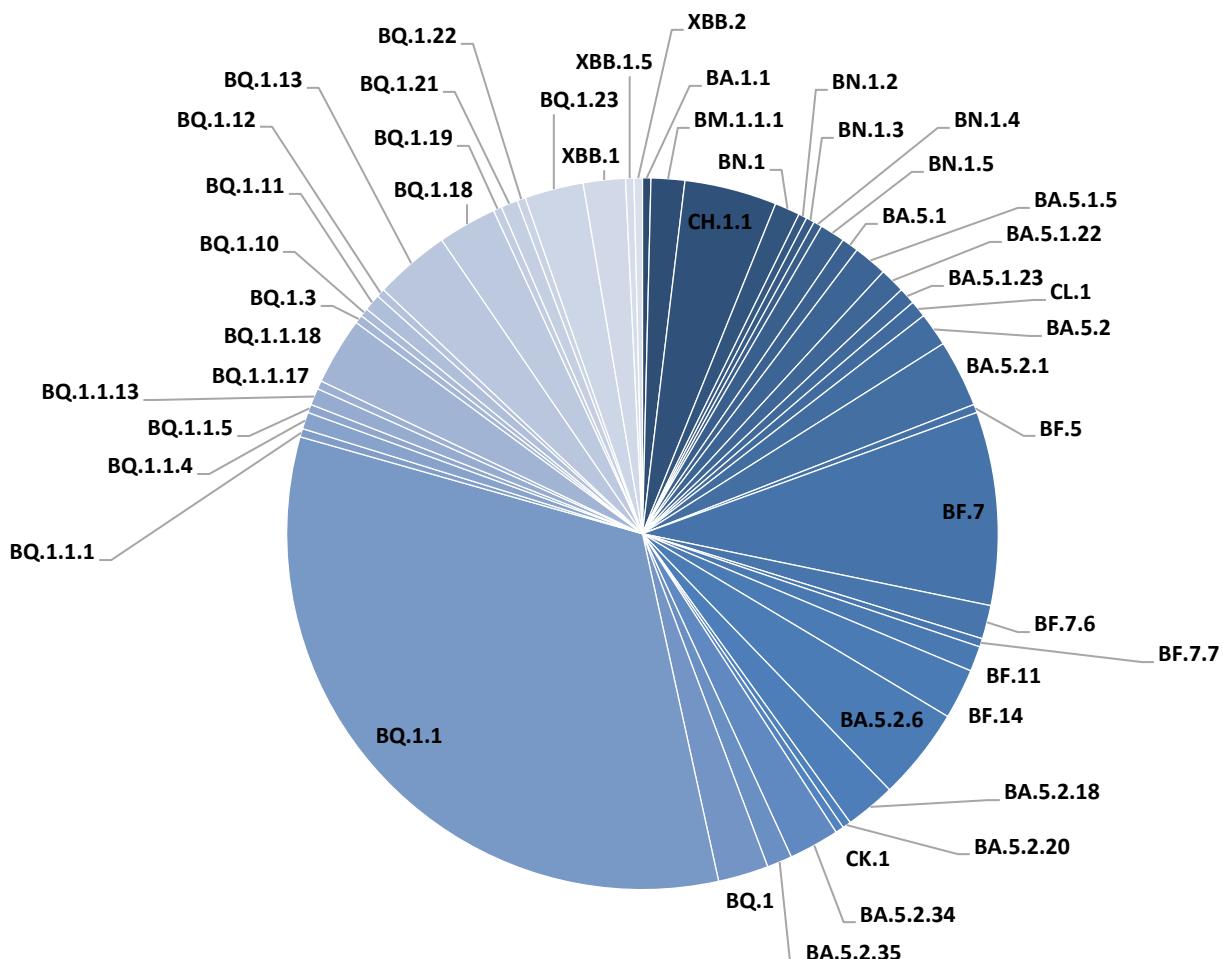
Omkron - B.1.1.529

Različica omikron (484A – B.1.1.529) vsebuje 26 aminokislinskih zamenjav, 3 delecije in 1 insercijo na beljakovini bodice S v primerjavi s prvotno različico (A67V, del69_70, T95I, G142D, del143_145, N211I, del211, ins214EPE, G339D, S371L, S373P, S375F, S477N, T478K, E484A, Q493R, G496S, Q498R, N501Y, Y505H, T547K, D614G, H655Y, N679K, P681H, D796Y, N856K, Q954H, N969K in L981F).

ECDC od 11. avgusta 2022 na seznam zaskrbljujočih variant uvršča 3 podrazličice omikrona (BA.2, BA.4 in BA.5) ter vse njihove hčerinske linije.

V stodrugem presejalnem obdobju smo različico omikron potrdili v vseh vzorcih.

Podrobno razporeditev posameznih genetskih podrazličic in hčerinskih linij omikrona dokazanih v stodrugem tednu presejalnega testiranja prikazuje Slika 2.



Slika 2. Razporeditev posameznih genetskih podrazličic omikrona dokazanih v stodrugem tednu, opredeljenih s sekveniranjem celotnega genoma.

