



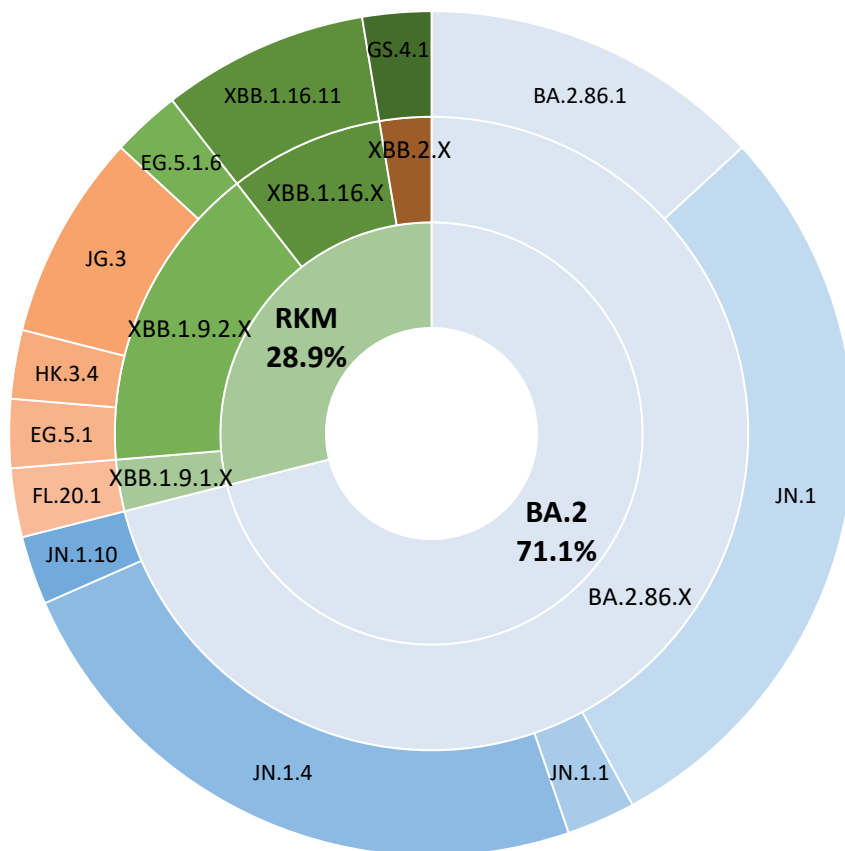
Datum: Ljubljana, 28. 02. 2024

Sistematično genomsko opredeljevanje in spremljanje epidemije SARS-CoV-2 v Sloveniji na Inštitutu za mikrobiologijo in imunologijo Medicinske fakultete Univerze v Ljubljani

V **stoosemintrideseto presejalno sekveniranje** virusnih različic SARS-CoV-2 z metodo določanja nukleotidnih zaporedij (sekveniranje) **smo vključili 38 vzorcev (64 % vseh SARS-CoV-2 PCR-pozitivnih vzorcev na IMI), ki so bili odvzeti med 29. 01. 2024 in 15. 02. 2024.** Izmed teh je bilo 46 % vzorcev iz Osrednjeslovenske regije, 15 % iz Goriške regije, po 8 % iz Jugovzhodne ter Zasavske regije, po 5 % iz Gorenjske, Podravske ter Savinjske regije in po 3 % iz Obalno-kraške ter Primorsko-notranjske regije. En vzorec je pripadal osebi, ki ima stalno prebivališče v tujini.

Zaradi stabilne epidemiološke situacije, ECDC od 3. marca 2023 na seznam zaskrbljujočih variant (»Variants of Concern« - VOC) trenutno ne uvršča nobenih linij SARS-CoV-2.

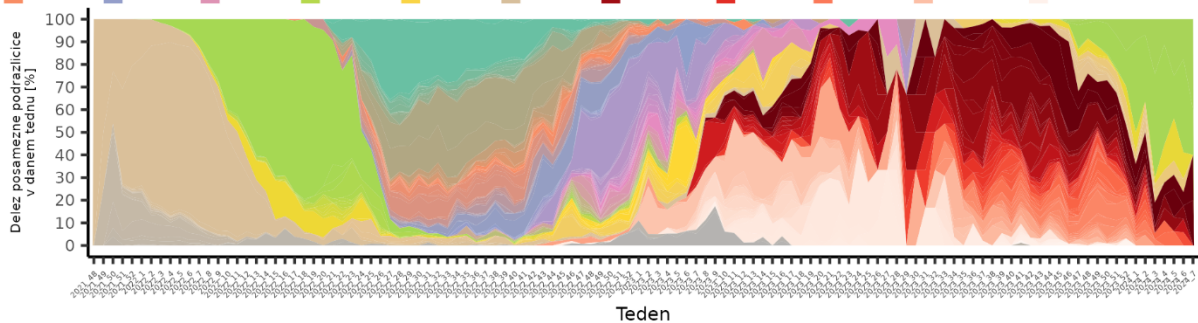
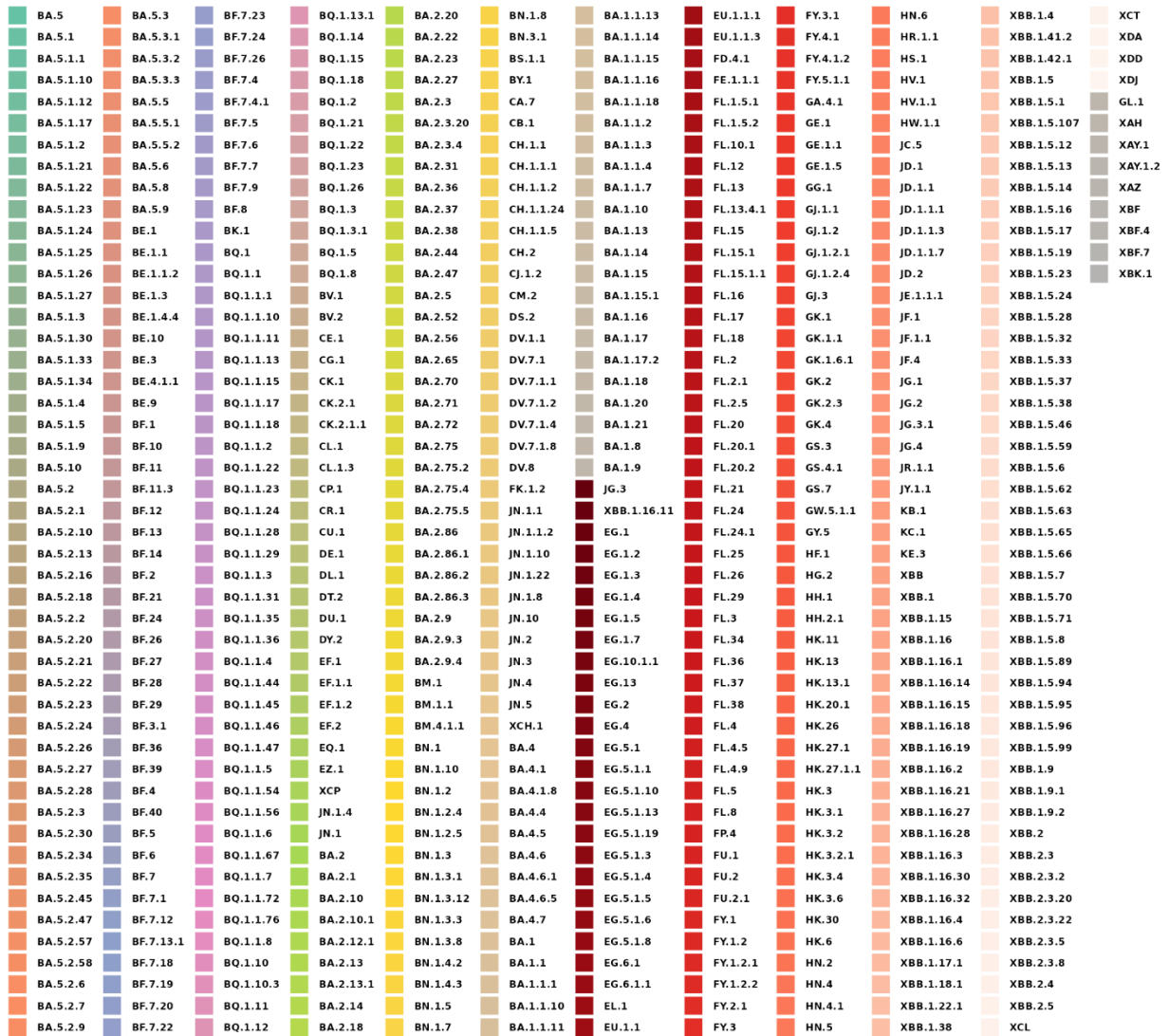
V stoosemintridesetem presejalnem sekveniranju, ki zajema obdobje od 29. 01. 2024 do 15. 02. 2024, smo različico omikron potrdili v vseh vzorcih.



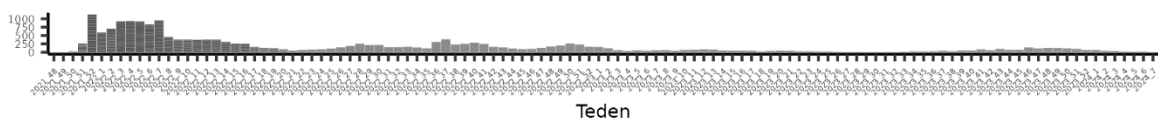
Slika 1. Razporeditev posameznih genetskih različic omikrona dokazanih v obdobju med 29. 01. 2024 in 15. 02. 2024. Zunanji obroč prikazuje posamezne dokazane različice z izpisom imena tistih, ki so bile prisotne v deležu $\geq 1\%$. Srednji in notranji obroč prikazujeta različna nivoja starševskih linij. Kategorija RKM predstavlja delež različic nastalih z rekombinacijo.



pangolin v4.3.1



Število celotnih genomov v danem tednu



Slika 2. Delež posameznih podrazličic omikrona potrjenih v celotnem obdobju presejalnega testiranja od pojava B.1.1.529 v Sloveniji dalje.

**Nadzor nad potencialno nevarnejšimi različicami (»VOI« / »VUM«)**

WHO in ECDC med različice, ki se podrobneje spremljajo (»Variants Of Interest« - VOI; »Variants Under Monitoring« - VUM), trenutno vključujeta BA.2.86, BA.2.87.1 in rekombinantne različice XBB. Tabela 1 prikazuje število posameznih primerov VOI / VUM, vključujoč podrazličice, dokazanih pri nas.

Tabela 1: Prikaz števila posameznih različic VOI / VUM dokazanih na IMI do vključno 15. 02. 2024.

Različica† (VOI/VUM)	Teden prve potrditve	Kumulativno število primerov	Dokazana v zadnjem presejalnem obdobju
XBB.1.5 (VOI)	50/2022	473	NE
XBB.1.16 (VOI)	15/2023	305	DA
EG.5 (VOI)	30/2023	519	DA
BA.2.86‡ (VOI)	39/2023	116	DA
JN.1 (VOI)	45/2023	198	DA
XBB.1.9.1 (VUM)	04/2023	377	DA
XBB.2.3 (VUM)	13/2023	117	DA
BA.2.87.1 (VUM)	NI	0	NE

† - vključujoč hčerinske različice, ‡ - brez tistih hčerinskih različic, ki se posebej spremljajo kot VOI / VUM