



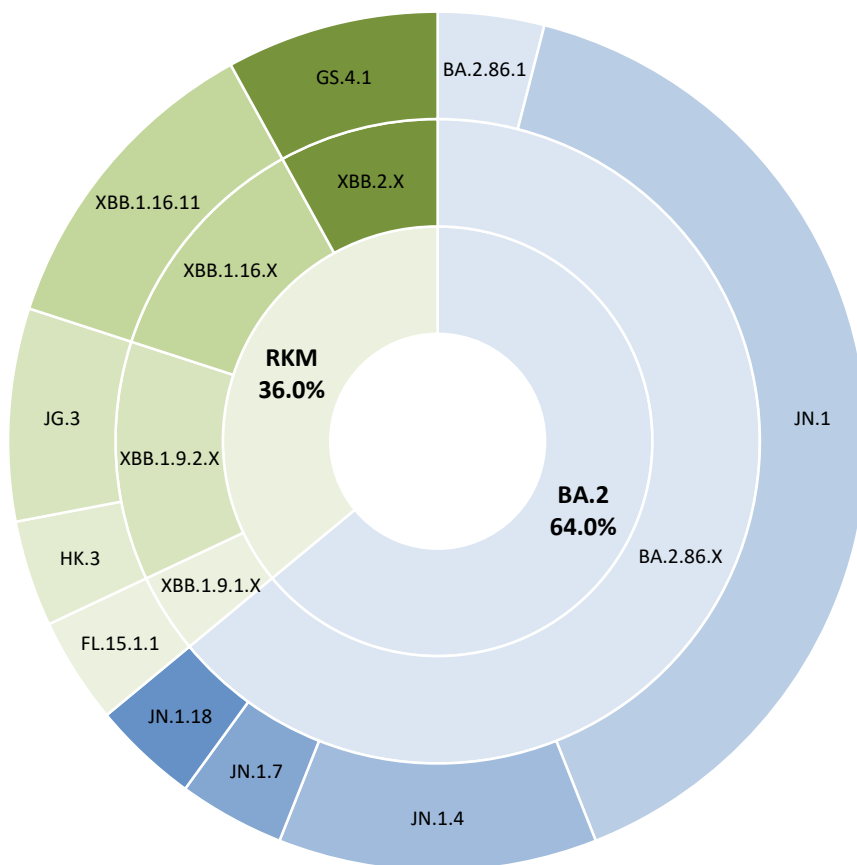
Datum: Ljubljana, 02. 04. 2024

Sistematično genomsko opredeljevanje in spremljanje epidemije SARS-CoV-2 v Sloveniji na Inštitutu za mikrobiologijo in imunologijo Medicinske fakultete Univerze v Ljubljani

V **stodevetintrideseto presejalno sekveniranje** virusnih različic SARS-CoV-2 z metodo določanja nukleotidnih zaporedij (sekveniranje) **smo vključili 25 vzorcev (61 % vseh SARS-CoV-2 PCR-pozitivnih vzorcev na IMI), ki so bili odvzeti med 16. 02. 2024 in 25. 03. 2024.** Izmed teh je bilo 48 % vzorcev iz Osrednjeslovenske regije, 20 % iz Goriške regije, 12 % iz Jugovzhodne regije, 8 % iz Gorenjske regije in po 4 % iz Koroške, Obalno-kraške ter Podravske regije. Vzorcev oseb, ki imajo stalno prebivališče v tujini ni bilo.

Zaradi stabilne epidemiološke situacije, ECDC od 3. marca 2023 na seznam zaskrbljujočih variant (»Variants of Concern« - VOC) trenutno ne uvršča nobenih linij SARS-CoV-2.

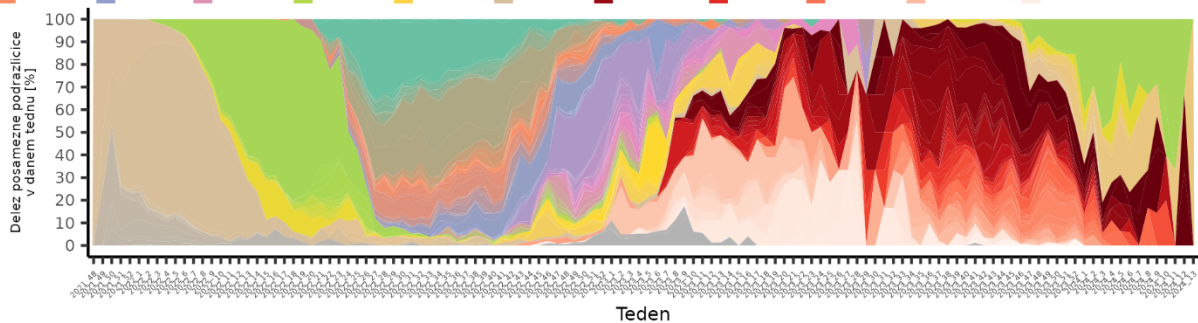
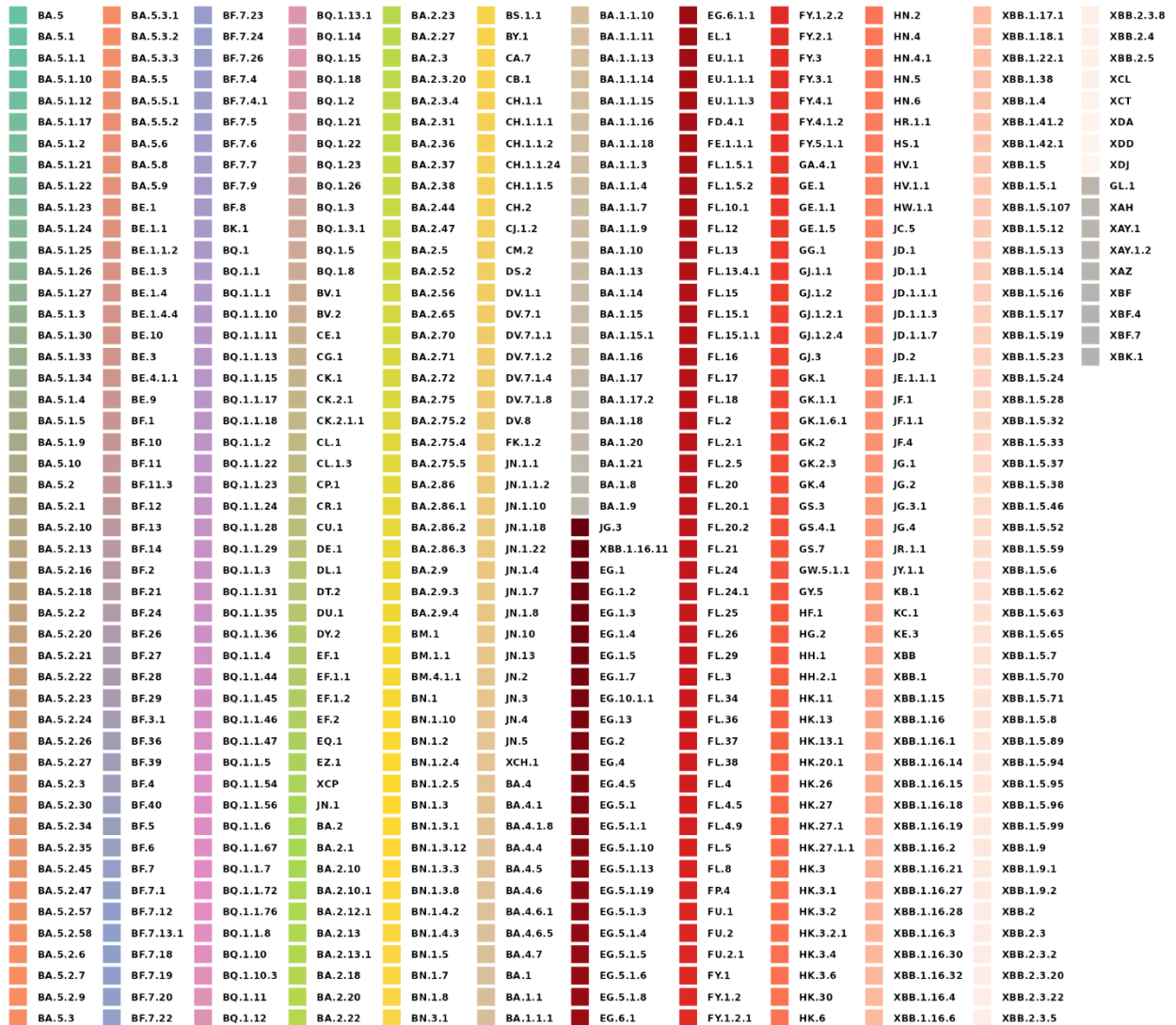
V stodevetintridesetem presejalnem sekveniranju, ki zajema obdobje od 16. 02. 2024 do 25. 03. 2024, smo različico omikron potrdili v vseh vzorcih.



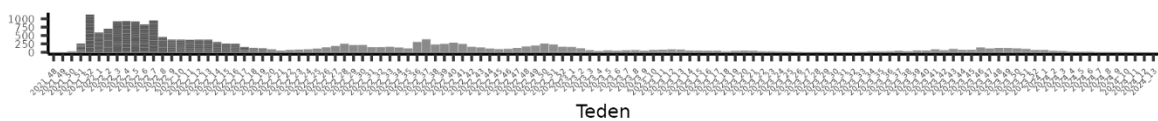
Slika 1. Razporeditev posameznih genetskih različic omikrona dokazanih v obdobju med 16. 02. 2024 in 25. 03. 2024. Zunanji obroč prikazuje posamezne dokazane različice z izpisom imena tistih, ki so bile prisotne v deležu $\geq 1\%$. Srednji in notranji obroč prikazujeta različna nivoja starševskih linij. Kategorija RKM predstavlja delež različic nastalih z rekombinacijo.



pangolin v4.3.1



Število celotnih genomov v danem tednu



Slika 2. Delež posameznih podrazličic omikrona potrjenih v celotnem obdobju presejalnega testiranja od pojava B.1.1.529 v Sloveniji dalje.



Nadzor nad potencialno nevarnejšimi različicami (»VOI« / »VUM«)

WHO in ECDC med različice, ki se podrobneje spremljajo (»Variants Of Interest« - VOI; »Variants Under Monitoring« - VUM), trenutno vključujeta BA.2.86, BA.2.87.1 in rekombinantne različice XBB. Tabela 1 prikazuje število posameznih primerov VOI / VUM, vključujoč podrazličice, dokazanih pri nas.

Tabela 1: Prikaz števila posameznih različic VOI / VUM dokazanih na IMI do vključno 25. 03. 2024.

Različica† (VOI/VUM)	Teden prve potrditve	Kumulativno število primerov	Dokazana v zadnjem presejalnem obdobju
XBB.1.5 (VOI)	50/2022	473	NE
XBB.1.16 (VOI)	15/2023	308	DA
EG.5 (VOI)	30/2023	522	DA
BA.2.86‡ (VOI)	39/2023	117	DA
JN.1 (VOI)	45/2023	213	DA
XBB.1.9.1 (VUM)	04/2023	378	DA
XBB.2.3 (VUM)	13/2023	119	DA
BA.2.87.1 (VUM)	NI	0	NE

† - vključujoč hčerinske različice, ‡ - brez tistih hčerinskih različic, ki se posebej spremljajo kot VOI / VUM